

江苏省地方标准

DB32/T 3762.11—2020

新型冠状病毒检测技术规范 第 11 部分：全基因组高通量测序

Technical specifications for SARS-CoV-2 detection—
Part 11: Whole genome high-throughput sequencing

2020-07-29 发布

2020-07-30 实施

江苏省市场监督管理局 发布

前 言

DB32/T 3762《新型冠状病毒检测技术规范》目前分为以下部分：

- 第 1 部分：生物样本采集、运输和保存；
- 第 2 部分：病毒分离与鉴定；
- 第 3 部分：核酸荧光 PCR 检测程序；
- 第 4 部分：重组酶介导等温扩增程序；
- 第 5 部分：血清 IgM 和 IgG 抗体酶联免疫吸附检测程序；
- 第 6 部分：血清 IgM 和 IgG 抗体胶体金免疫层析检测程序；
- 第 7 部分：空气样本检测与评估；
- 第 8 部分：物体表面检测与评估；
- 第 9 部分：医务人员职业暴露检测与评估；
- 第 10 部分：微量血清中和试验；
- 第 11 部分：全基因组高通量测序。

本部分为 DB32/T 3762 的第 11 部分。

本部分按照 GB/T 1.1—2009 给出的规则起草。

本部分由江苏省卫生健康委员会提出。

本部分由江苏省卫生标准化技术委员会归口。

本部分起草单位：江苏省疾病预防控制中心、南京医科大学、苏州第五人民医院、苏州大学附二院、昆山市疾病预防控制中心。

本部分主要起草人：崔仑标、葛以跃、赵康辰、朱小娟、朱宝立、程军平、钱志远、罗晓明、沈欢喜。

新型冠状病毒检测技术规范

第 11 部分：全基因组高通量测序

1 范围

DB32/T 3762 的本部分规定了新型冠状病毒全基因组高通量测序的环境与设施、设备与耗材、试剂、样本前处理与核酸提取、全基因组测序、结果分析。

本部分适用于新型冠状病毒全基因组高通量测序。

2 规范性引用文件

下列文件对于本文件的应用是必不可少的。凡是注日期的引用文件，仅注日期的版本适用于本文件。凡是不注日期的引用文件，其最新版本（包括所有的修改单）适用于本文件。

GB 19489 实验室 生物安全通用要求

新型冠状病毒实验室生物安全指南（中华人民共和国国家卫生健康委员会）

医疗机构临床基因扩增管理办法（原卫生部办公厅）

医疗机构临床基因扩增检验实验室工作导则（原卫生部检验中心）

国家卫生计生委对高通量测序试点实验室的要求（原国家卫生计生委）

3 术语和定义

下列术语和定义适用于本文件

3.1

全基因组测序 whole genome sequencing

对生物体整个基因组序列进行测定，以获得完整的基因组信息。

3.2

高通量测序 high-throughput sequencing

能一次并行对几十万到几百万条 DNA 分子进行序列测定的技术。

注：又称“下一代”测序（“next-generation” sequencing）或深度测序（deep sequencing）技术。

3.3

Reads

高通量测序平台产生的序列，即测序读到的碱基序列片段，是测序的最小单位。

3.4

测序深度 sequencing depth

测序得到的总碱基数与待测基因组大小的比值。

3.5

测序覆盖度 sequencing coverage

测序得到的序列占整个基因组的比例。